UPSud – Hôpital Bicêtre





Thierry Naas

Institut Pasteur



Philippe Glaser

EA 7361, UPSud, Structure, dynamique, fonction et expression de ß-lactamases à large spectre

Structure-fonction (Coll. LabEx)



CNR Carbapenemase Laboratoire de Bactériologie, Bicêtre Régulation-Transcriptomiquemodèle animal









Research Unit Antibiotic resistance

- Génomique
- Evolution
- Génomique fonctionelle



Co-direction T. Naas/P. Glaser

1er janvier 2016: Ecology and evolution of antibiotic resistance "EERA"

EA 7361, Structure, dynamique, fonction et expression de ß-lactamases à spectre large

EERA Ecology and evolution of antibiotic resistance

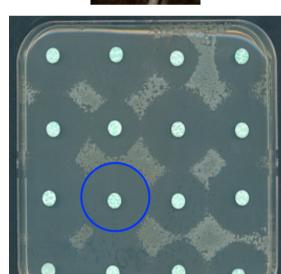
AMX

CTX

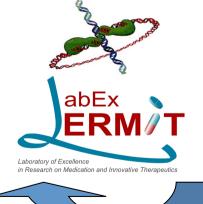
E. coli d'antan





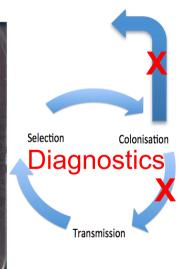








Infection



Inhibiteurs de ß-lactamase Nouvelles cibles

Carbapénèmases

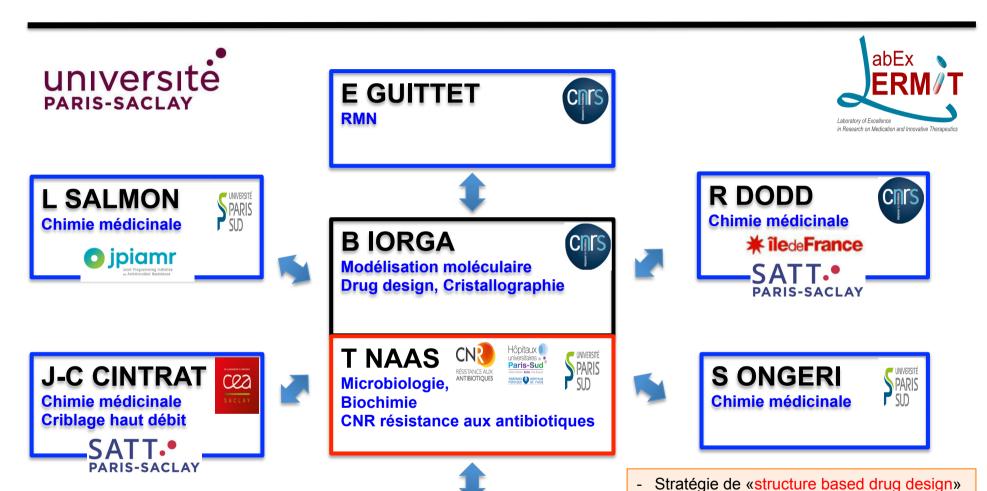
MEM

CXM

Metallo-enzymes (bla_{VIM}, bla_{IMP}, bla_{NDM}) Oxacillinases (bla_{OXA-48}) Class A (bla_{NMCA}, bla_{GES}, and bla_{KPC})

ATM

Inhibiteurs de carbapénèmases: projet de novo (2012)



A PRUVOST

Métabolisme du médicament

Pharmacologie

- 4 séries chimiques différentes d'inhibiteurs

cea

- Souchothèque unique de BMR à Gram -
- CNR et laboratoire hospitalier => antibiorésistance au quotidien en clinique
- Consortium académique et excellence des équipes